



UNIVERSIDAD JUÁREZ DEL ESTADO DE DURANGO

FACULTAD DE MEDICINA Y NUTRICIÓN

DIVISIÓN DE ESTUDIOS DE POSGRADO E INVESTIGACIÓN

III ENCUENTRO DE INVESTIGACIÓN EN EL POSGRADO DE LA FACULTAD DE MEDICINA Y NUTRICIÓN DE LA U.J.E.D.



FORMATO DE INSCRIPCIÓN DE TRABAJOS

No. de Clave: _____

(Uso exclusivo del Comité Organizador)

Título de su trabajo(_____):

Resumen (Extensión máxima 250 palabras en formato Word, tamaño carta, con márgenes de 2.5 cm en cada lado, justificado, en letra Arial 11)

El resumen debe de contener los siguientes apartados:

- Título
- Autores
- Adscripción
- Introducción
- Objetivo
- Material y Métodos
- Resultados
- Conclusiones
- Palabras clave

EJEMPLO DE RESUMEN:

16-006. FRECUENCIA ALÉLICA Y GENOTÍPICA DEL POLIMORFISMO rs7903146 DEL GEN TCF7L2 EN PERSONAS CON DIABETES TIPO 2 RESIDENTES DE LA CIUDAD DE DURANGO. Brenda Mariel Cháirez Avila¹, Ángel González Romero², Rosa Eréndira Sierra Puente^{1,2,3}, Jorge Alberto Burciaga Nava^{1,2,3}, Miguel Arturo Reyes Romero^{1,5}

Programa de Maestría en Ciencias de la Salud¹, Programa de Doctorado en Ciencias Médicas², Departamentos de ³Bioquímica, ⁴Histología y ⁵Medicina Molecular de la Facultad de Medicina y Nutrición de la UJED

INTRODUCCIÓN: El gen TCF7L2 es el locus con la asociación más fuerte a diabetes mellitus tipo 2 (DM2) descrito a la fecha. Un polimorfismo de un solo nucleótido (SNP rs7903146, C>T) es el principal responsable de esta asociación, también relacionada a riesgo cardiovascular. La dieta mediterránea anula los efectos del alelo T, de ahí la importancia de conocer frecuencias e identificar portadores de este SNP para orientar la intervención nutricia.

OBJETIVO: Determinar la frecuencia de alelos y genotipos del SNP rs790316 del gen TCF7L2 en personas con DM2 residentes de Durango.

MATERIALES Y MÉTODOS: Estudio descriptivo genético-molecular que incluyó 213 mujeres y 121 hombres con DM2. La genotipificación se realizó por PCR-HRM a partir de ADN genómico de leucocitos.

RESULTADOS: Las frecuencias alélicas fueron: alelo C, 73.2%; alelo T, 26.8%. Las frecuencias genotípicas fueron: genotipo CC, 55.9%; CT, 34.43; TT, 9.58. La muestra no estuvo dentro del equilibrio de Hardy-Weinberg (χ^2 , 5.00; $p=0.025$).

CONCLUSIÓN: La frecuencia de portadores del alelo mutado T es parecida a la reportada para poblaciones Caucásicas, Asiáticas e Hispanas. Se requieren estudios de asociación para conocer el impacto de esta variante sobre el riesgo para DT2 en nuestra población.



UNIVERSIDAD JUÁREZ DEL ESTADO DE DURANGO

FACULTAD DE MEDICINA Y NUTRICIÓN

DIVISIÓN DE ESTUDIOS DE POSGRADO E INVESTIGACIÓN

III ENCUENTRO DE INVESTIGACIÓN EN EL POSGRADO DE LA FACULTAD DE MEDICINA Y
NUTRICIÓN DE LA U.J.E.D.



HOJA ANEXA DE DATOS

Nombre del director de tesis (incluya dirección de correo electrónico y número de teléfono):

Programa de posgrado al que pertenece incluyendo el nombre de la institución

Responsable de la presentación del trabajo:

Nombre (Subrayado):

Correo electrónico:

Teléfono (con lada):

Adscripción:

Domicilio de la Institución:

Colaboradores:

Nombre:

Correo electrónico:

Teléfono (con lada):

Adscripción:

Nombre:

Correo electrónico:

Teléfono (con lada):

Adscripción:

Nombre:

Correo electrónico:

Teléfono (con lada):

Adscripción:

Nombre:

Correo electrónico:

Teléfono (con lada):

Adscripción: